

Тема 27: Риск-адаптированные подходы к терапии на основе новых молекулярных факторов прогноза при лимфо- и миелопролиферативных заболеваниях

Показано, что используемые методики определения мутаций генов TP53, NOTCH1 и мутационного статуса генов IGHV качественно отработаны нами на группе больных с диагнозом ХЛЛ. На промежуточном этапе исследования у 11 из 50 обследованных с помощью методики FASAY пациентов получены результаты, близкие к пограничному по наличию мутации TP53, и у 5 пациентов предположительно выявлена мутация TP53 (более 15% красных колоний). Однако лишь у одного из этих пациентов методом секвенирования было подтверждено наличие мутации c.730G> A. Выявлено, что данная мутация относится к функционально значимым в соответствии с данными базы IARC (<http://p53.iarc.fr>). Отмечено, что расхождение результатов скринингового метода FASAY и прямого секвенирования может указывать на наличие минорных клонов или недостаточную отработанность методики. В настоящее время проводятся дополнительные исследования с применением методики секвенирования нового поколения. Анализ мутационного статуса генов IGHV с выявлением стереотипии строения В-клеточного рецептора и анализ мутаций NOTCH1 также выполняется всем пациентам. За прошедший год анализ выполнен у 50 пациентов. Полученные данные собираются в единую базу данных, включающую в себя демографические, клинические и биологические характеристики каждого пациента.

Перечень научной продукции, полученной в ходе выполнения темы государственного задания:

Статьи в зарубежных журналах – 1

Статьи в отечественных журналах – 7